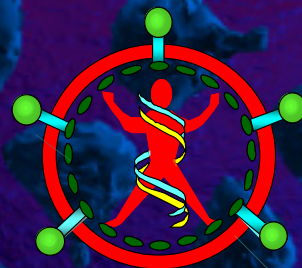


Análisis De Resistencia Genotípica de pacientes infectados con VIH-1 en el Departamento de Córdoba

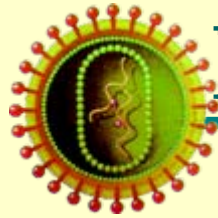
M. QUINTANA., V. Otero., F. García., Domínguez;
Benítez L.





Objetivo

- Determinar la circulación, en el departamento de Córdoba, de las mutaciones en los genes RT y P del VIH -1 asociadas con la resistencia a medicamentos.



Metodología

- **Muestra de Estudio** : 41 individuos seropositivos previamente diagnosticados, 8 de los cuales no habían iniciado tratamiento alguno, pertenecientes a la Fundación Unidos por la Vida (FUNVIHDA) y caracterizados mediante encuesta epidemiológica
- La prueba de ELISA (Kit Bioelisa VIH – 1+2) y Western Blot (VIH BLOT 2.2 – Genelabs Diagnostics) fue desarrollada para asegurar el estado de seropositividad, se les realizó carga viral (CV) y fueron catalogados por medio del logaritmos:

Bajo: logaritmo < 2.0 ,

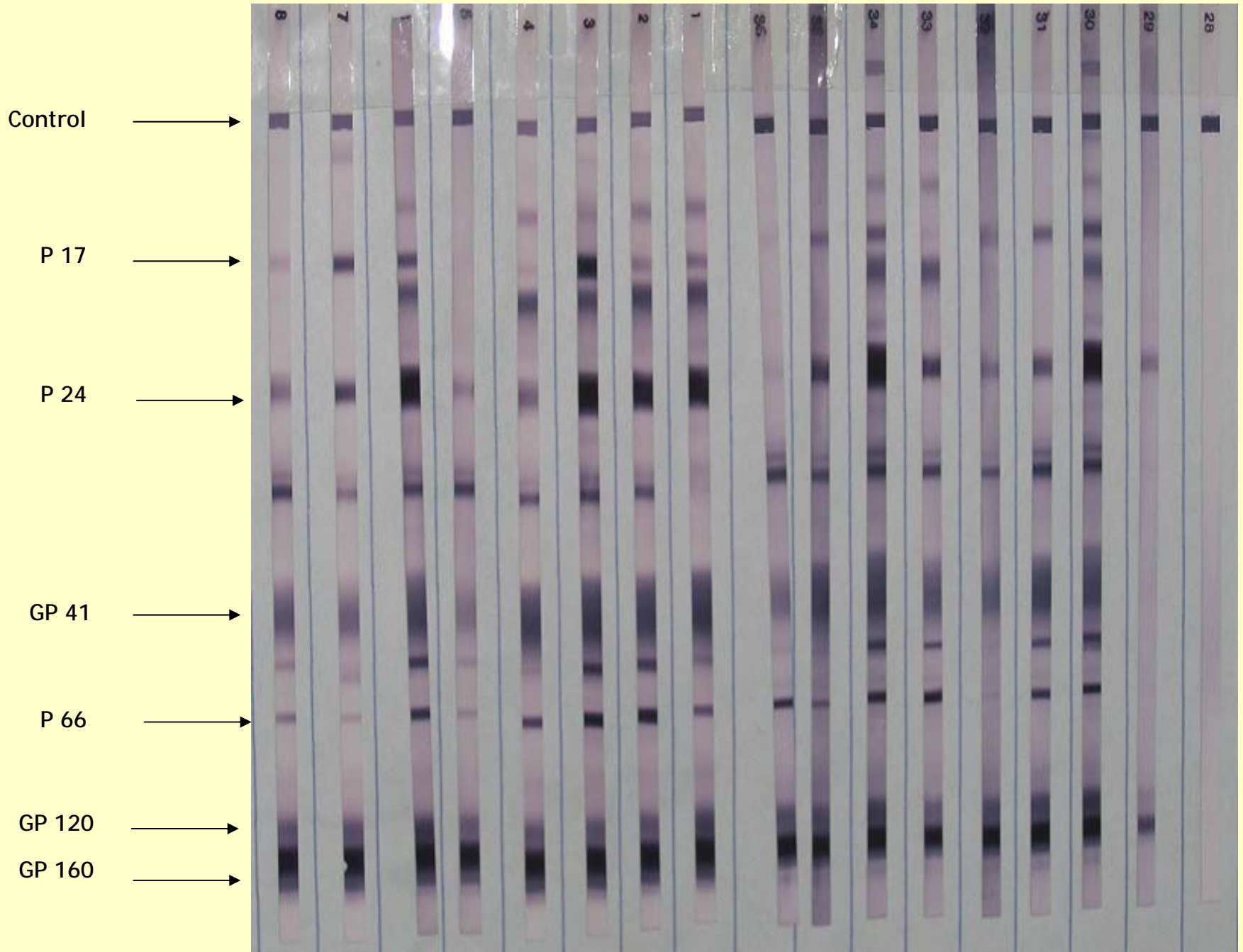
Medio: logaritmo entre >2.0 y <3.0

Alto: logaritmo >3.0 a 6.0 .

- Aquellos con CV con logaritmo alto fueron genotipificados usando ViroSeq™ Abbott.

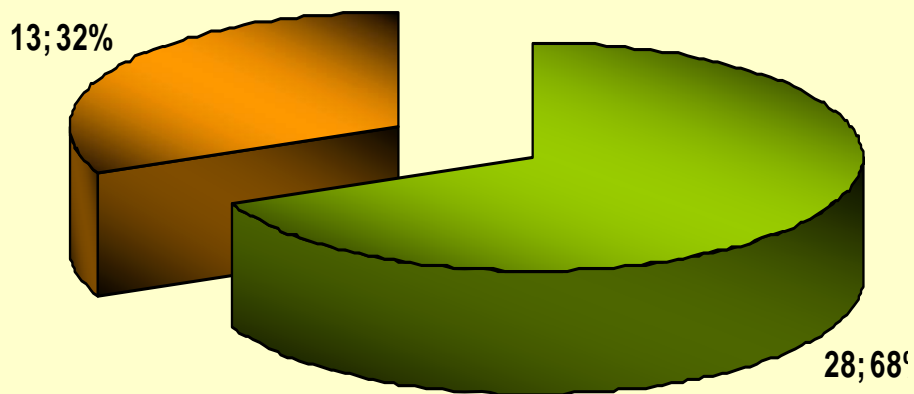
WESTERM BLOT

POS POS NEG



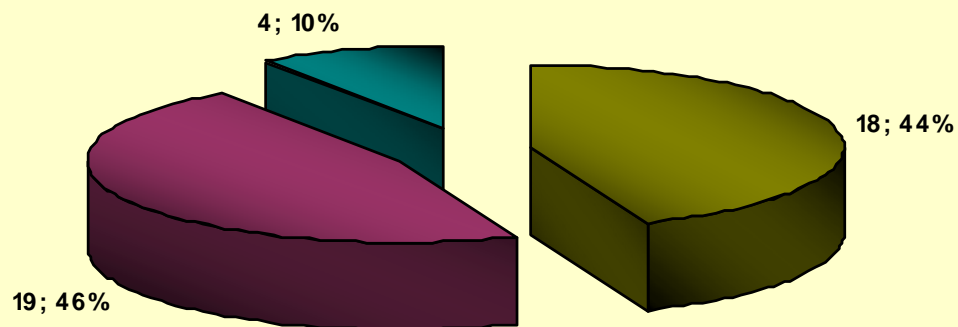
Resultados de la Ficha Epidemiológica

Hombres vs. Mujeres



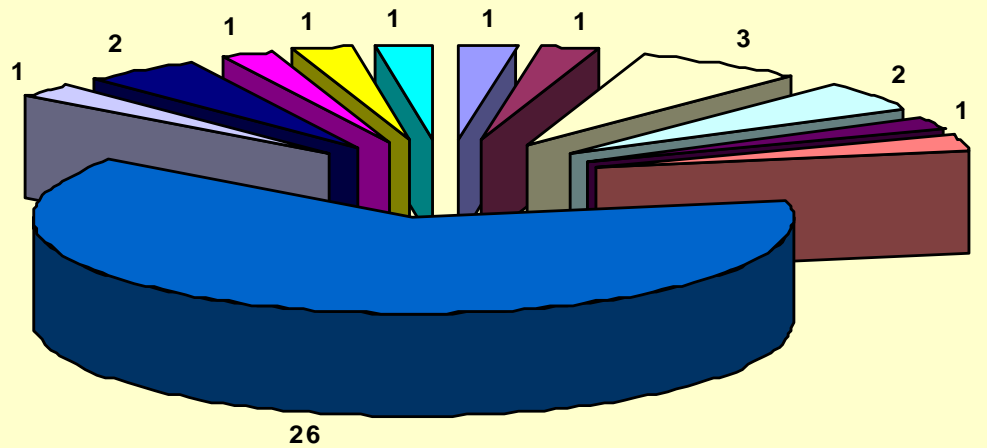
■ Masculino ■ Femenino

Nivel de Escolaridad



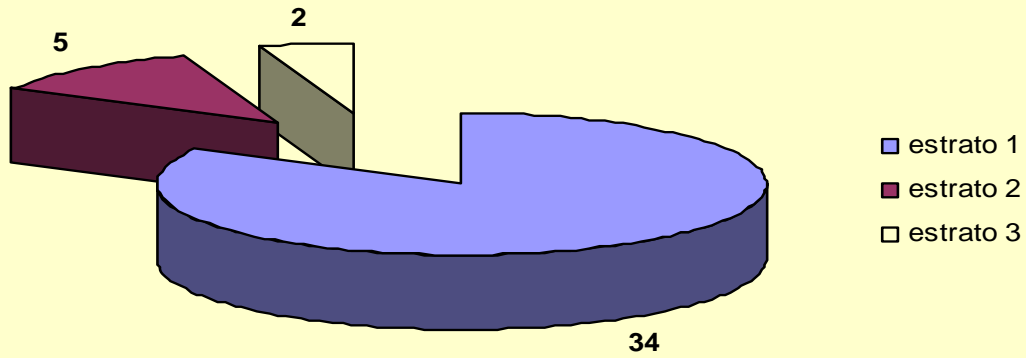
■ Primaria ■ Bachillerato ■ Profesional

Procedencia

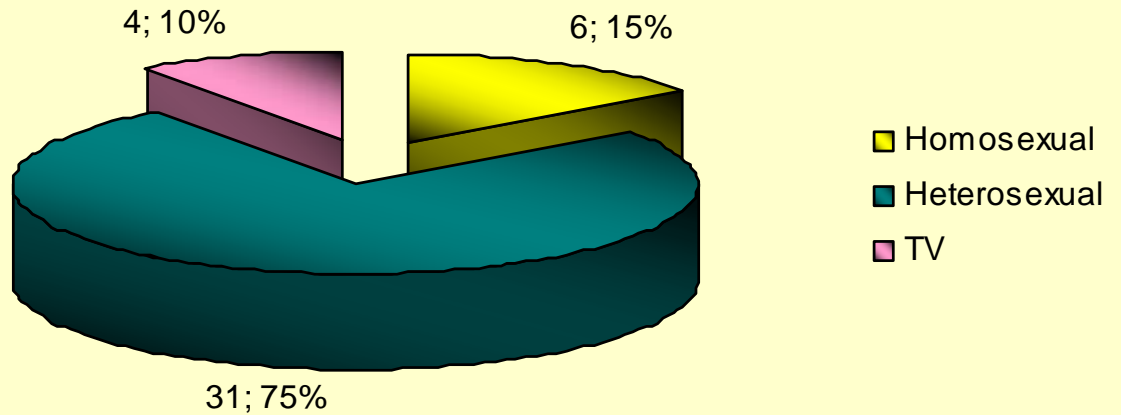


- | | | | | | |
|------------|-------------|----------------|-----------|--------------|---------------|
| ■ canalete | ■ cartagena | ■ cerete | ■ lorica | ■ momil | ■ montelibano |
| ■ montería | ■ moñitos | ■ planeta rica | ■ sahadún | ■ san pelayo | ■ tierra alta |

Estrato Social

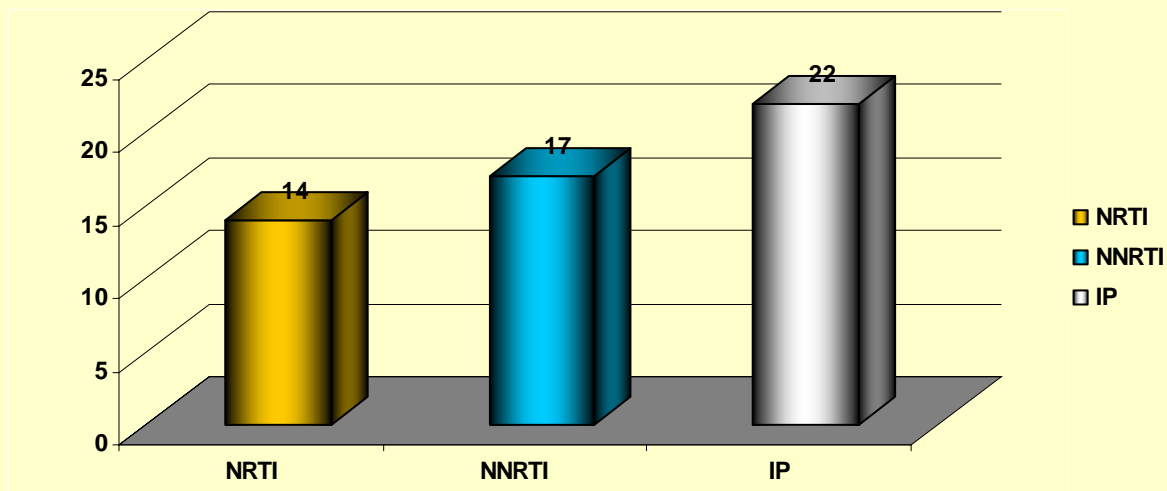


Preferencia sexual

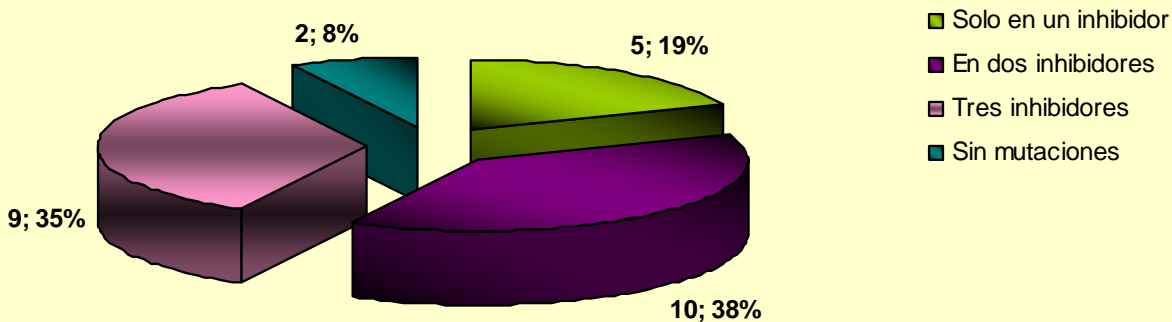


Resultados Genotipificación

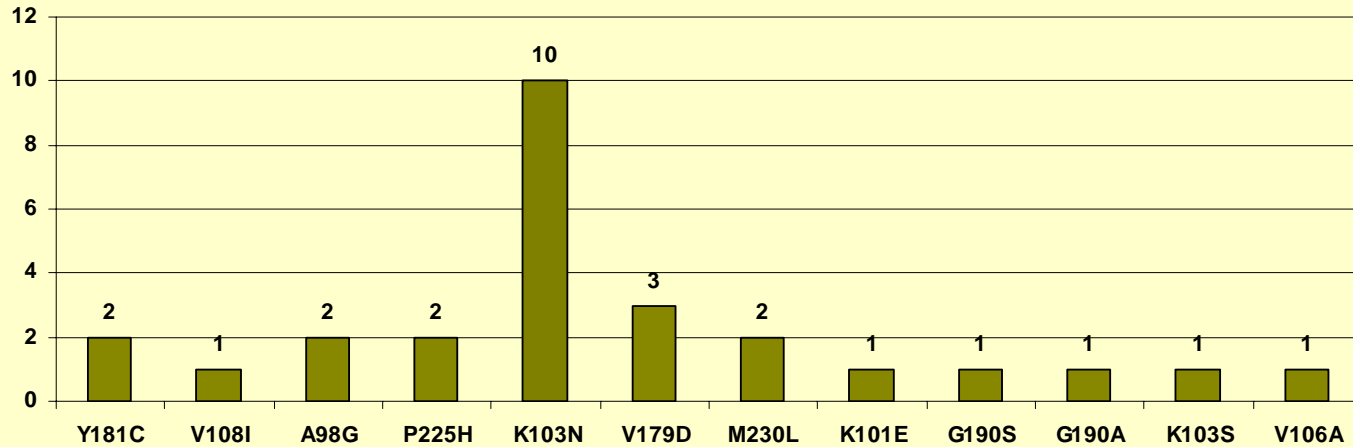
Distribución de mutaciones por pacientes en cada grupo de Inhibidor. Nucleósidos de la Transcriptasa Reversa (NRTI). No Nucleósidos Inhibidores de la Transcriptasa Reversa (NNRTI). Inhibidores de la Proteasa del VIH-1.



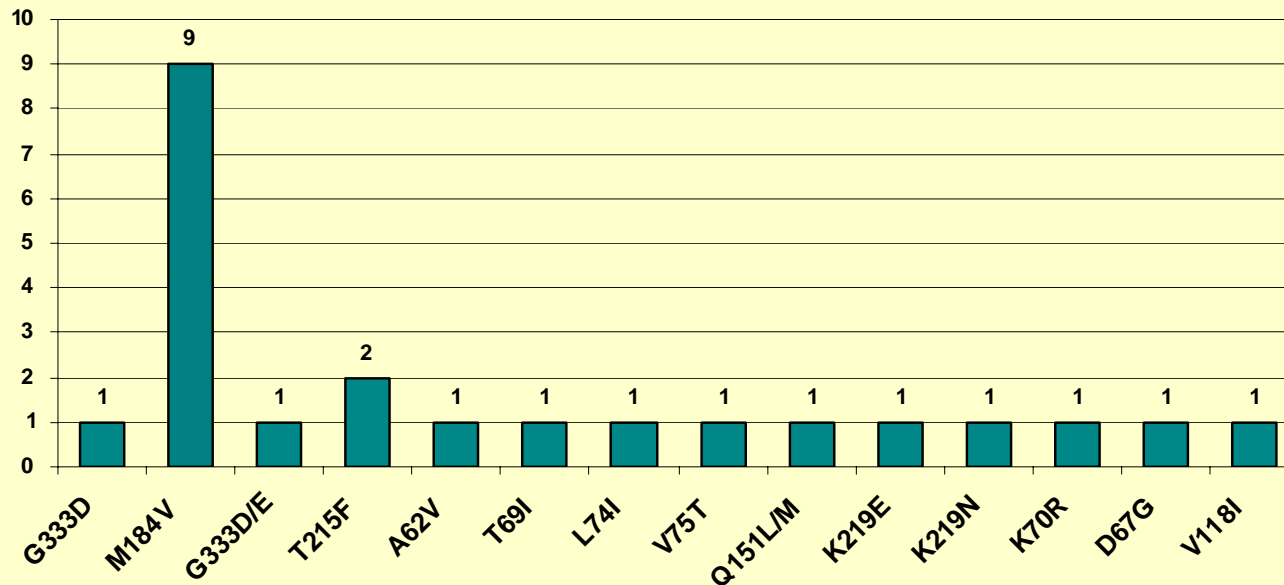
Multirresistencia a diferentes drogas antirretrovirales en pacientes VIH/SIDA en el Departamento de Córdoba



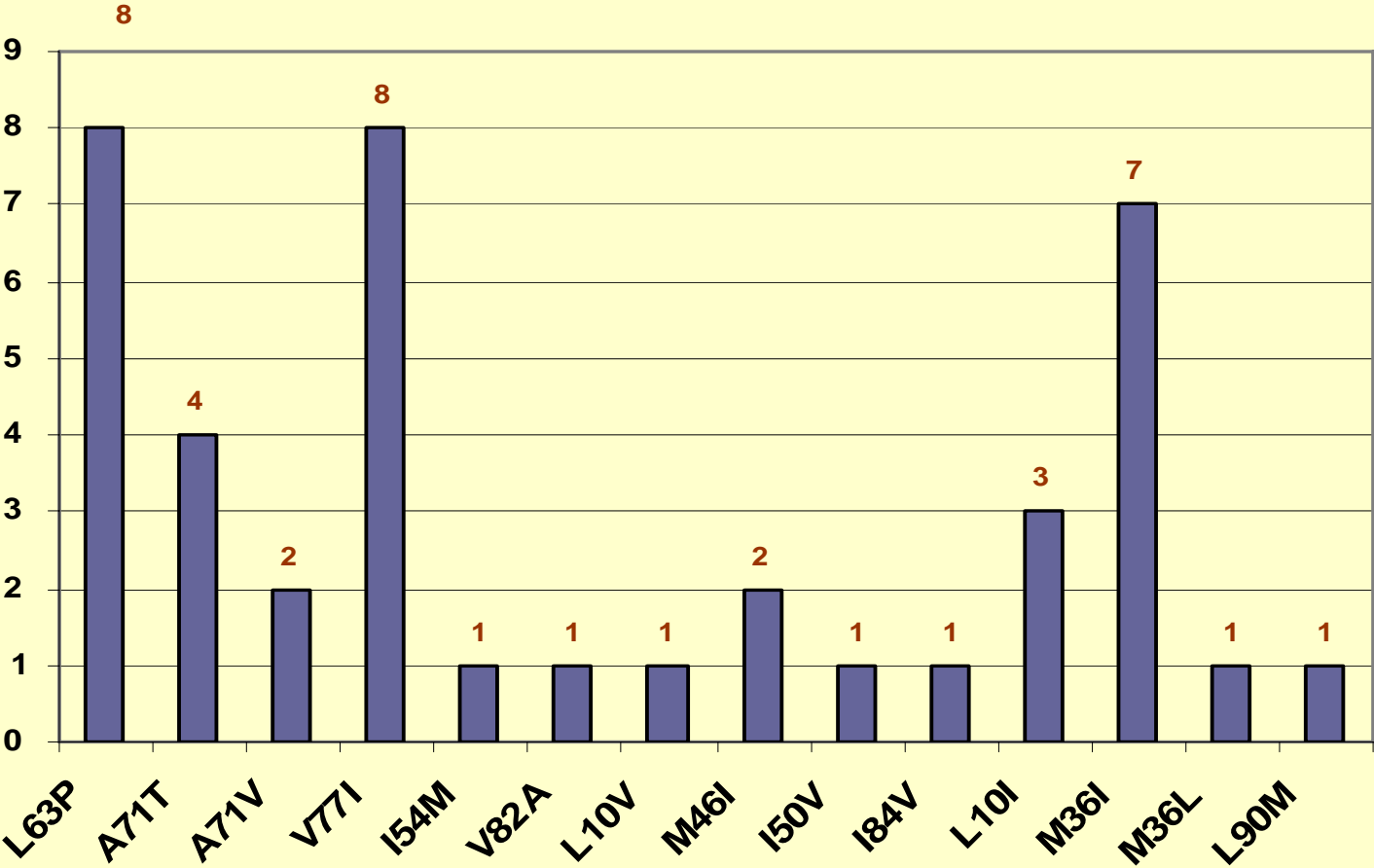
Distribución de las frecuencias de las mutaciones seleccionadas por el tratamiento con No Nucleósidos Inhibidores de la Transcriptasa Reversa (NNITR)



Distribución de las frecuencias de las mutaciones seleccionadas por el tratamiento con Nucleósidos Inhibidores de la Transcriptasa Reversa (NITR)



Distribución de las frecuencias de las mutaciones seleccionadas por el tratamiento con Inhibidores de la Proteasa (IP)



Consideraciones

1. El conjunto de mutaciones reportadas en este trabajo constituyen el primer marco de referencia para la región Caribe Colombiana y en alguna medida modifica el mapa epidemiológico en la Costa Caribe.
2. La presencia de la mutación V106A en un paciente sin antecedentes terapéuticos parece evidenciar un caso de transmisión horizontal.
3. Se sugiere hacer concientización de los beneficios de una buena adherencia, con lo que se evitaría resistencias tempranas.
4. La presencia de mutaciones menores en el gen de la proteasa podría estar confiriendo un mejor “fitness” en las poblaciones virales circulantes en esta región.



GRACIAS